

Phylogenetic and pathogenic analysis of avian H9N2 and H5N1 influenza A viruses isolated in Japan

メタデータ	言語: jpn 出版者: 公開日: 2019-03-22 キーワード (Ja): キーワード (En): 作成者: 真瀬, 昌司 メールアドレス: 所属:
URL	https://doi.org/10.24514/00002168

日本で分離されたH9N2およびH5N1亜型鳥インフルエンザウイルスの 分子疫学的および病原学的解析

真瀬昌司

Phylogenetic and pathogenic analysis of avian H9N2 and H5N1 influenza A viruses isolated in Japan

Masaji MASE

はじめに

近年アジアを中心に鳥インフルエンザが流行している。1997年には、H5N1亜型のウイルスが18名のヒトに直接感染し、そのうち6名が死亡した。本ウイルスは、2003年以降アジア諸国で猛威を奮い、2004年にはわが国でも発生が認められた。また輸入アヒル肉からもH5N1ウイルスが分離された。

一方、H9N2亜型ウイルスもアジアを中心に広く流行しており、ヒトの感染例も報告されている。わが国では流行が認められていないが、流行国から輸入された鳥類から本ウイルスが分離された。

本研究では、輸入インコから分離されたH9N2ウイルス株、わが国で発生した高病原性鳥インフルエンザから分離されたH5N1ウイルス、および輸入アヒル肉から分離されたH5N1ウイルスの遺伝学的、病原学的性状を解析した。

1. 輸入愛玩鳥から分離されたH9N2亜型鳥インフルエンザウイルスの性状

1997年及び1998年に、パキスタンから日本へ輸入されたワカケホンセイインコ(*Psittacula Krameri manillensis*)の呼吸器からH9N2亜型のA型インフルエンザウイルスが2株分離された。両分離株は遺伝学的に極めて近縁であり、このことは同一系統のウイルスが少なくとも1年間これらの鳥の集団で維持されていたことを示す。両株の赤血球凝集素遺伝子およびノイラミニダーゼ遺伝子の塩基配列は、1999年に香港でヒトから分離されたH9N2

亜型ウイルス株との間で97%以上の相同性を示し、また6種類の内部蛋白質遺伝子の塩基配列は香港で1997年に分離されたH5N1亜型ウイルス株との間で99%以上の相同性を示した。これは、パキスタン由来のインコから分離されたH9N2亜型ウイルスとヒトから分離されたH9N2亜型ウイルスは共通の祖先から派生したことを示唆している。以上の結果は、ヒトに直接感染する可能性をもつA型インフルエンザウイルスが愛玩鳥の輸出入を介して世界的に伝播している可能性を示唆した。

2. 2003-2004年にかけて日本で発生したH5N1亜型高病原性鳥インフルエンザの流行で分離されたウイルスの性状

わが国で2003年12月末から2004年3月にかけて、致死的な鳥の伝染性疾病が150-450km離れた3県下で4件(養鶏場3件と愛玩鶏1件)発生した。原因はH5N1亜型高病原性鳥インフルエンザウイルスで、わが国では初めての発生例であった。本ウイルスは死亡したカラスからも分離された。わが国で分離されたH5N1ウイルス株は、モノクローナル抗体を用いた赤血球凝集反応抑制試験の結果において、その抗原的類似性が示されたが、1997年および2003年に香港でヒトから分離されたウイルス株とは識別された。遺伝学的にも、わが国のウイルス株は相互に近縁であったが、これらのウイルスは中国広東省で分離された遺伝子型Vのウイルス(A/chicken/Shantou/4231/2003株)と最も高い相同性を示し、東南アジアの主流株である遺伝子型Zではなかった。わが国の代表株と

してA/chicken/Yamaguchi/7/2004株の鶏およびマウスに対する病原性を調べたところ、鶏では静脈内接種で1日以内に、経鼻接種では3日以内に全羽死亡した。一方、マウスではその50%致死量が 5×10^5 EID₅₀ (50% egg-infectious dose)であり、1997年に香港においてヒトから分離された株よりもその病原性は低かったが、馴化を必要とせずとも肺でよく増殖しさらに脳へも拡散した。

3. 2003年中国から日本に輸入されたアヒル肉から分離されたH5N1亜型高病原性鳥インフルエンザウイルスの性状

2003年中国山東省から輸入されたアヒル肉からH5N1亜型鳥インフルエンザウイルスが分離された。本ウイルス株は、モノクローナル抗体を用いた赤血球凝集反応抑制試験の結果から、他の1997年および2003年に香港でヒトから分離されたウイルス株などとはその抗原性が異なっていることが示された。遺伝学的には、本ウイルス株の6遺伝子(PB1, PA, HA, NA, M およびNS)は最近分離されたH5N1ウイルス株に近縁であったが、残り2遺伝子(PB2, NP)は他のウイルス株由来と考えられた。本株の鶏およびマウスに対する病原性を調べたところ、鶏に対して高病原性であり、またマウスではその50%致死量が 5×10^6 EID₅₀であった。しかし、ウイルスを感染さ

せたマウスの脳から回収されたウイルスには数カ所のアミノ酸変異が認められ、またマウスに対する病原性が著しく上昇していた。以上の結果はインフルエンザウイルス清浄国であってもこのような家禽製品を介して高病原性鳥インフルエンザウイルスが持ち込まれる可能性があり公衆衛生学的な脅威となること、また養鶏産業上、感染源と成りうる可能性を示す。

4. おわりに

2005年現在でもH5N1鳥インフルエンザは公衆衛生学的に問題となっている。本研究の結果、鳥インフルエンザの疫学を考える上で、サーベイランス、特に輸入生鳥や輸入家禽物のサーベイランスが重要であることが示された。また、わが国で発生した高病原性鳥インフルエンザから分離されたH5N1亜型の鳥インフルエンザウイルスも含め、アジアには複数の異なる遺伝子型のH5N1亜型鳥インフルエンザが存在し流行していることが明らかになった。またほ乳類であるマウスに対し容易に強毒化しうること、その変異には複数のアミノ酸置換が関与している可能性が示唆された。本研究成果は鳥インフルエンザの流行疫学の解明、および鳥インフルエンザの予防、防除方法の確立に有用である。